

Autentificarea liniei celulare de câine (canin) (repetiție tandem scurtă (STR)) | 900170

Având în vedere prevalența contaminării încrucișate și a identificării eronate, autenticitatea celulelor utilizate în proiectele de cercetare științifică reprezintă o preocupare majoră. Se estimează că aproximativ 15-20% din totalul cercetărilor bazate pe linii celulare se desfășoară cu linii celulare identificate eronat. Prin urmare, determinarea profilului unei linii celulare prin analiza STR este esențială pentru desfășurarea unei cercetări fiabile și repetabile. În plus, un număr tot mai mare de reviste științifice solicită verificarea liniilor celulare înainte de a accepta un articol.

Serviciul nostru include

- Autentificarea liniilor celulare
- Compararea cu bazele de date online
- Raport de analiză gata de publicare

Ușor de utilizat

- Vă rugăm să descărcați [Formularul de comandă pentru autentificarea liniilor celulare](#) și să atașați formularul completat și tipărit la pachetul cu probele.
- Vă rugăm să ne trimiteți probele într-un plic captușit, la temperatura camerei.
- Pentru ADN genomic (gDNA), vă rugăm să ne furnizați ≥ 50 μ l de gDNA la o concentrație de 50 ng/ μ l în Tris sau EDTA (10 mM Tris, 0,1 mM EDTA).
- Pentru pelete celulare, vă rugăm să ne furnizați 1,0-5,0 milioane de celule sub formă de peletă celulară. Vă rugăm să spălați de două ori cu PBS și să resuspendeți în 0,5 ml de etanol 70-90%.

Markeri

- Celulele umane sunt tipizate cu sistemul PowerPlex de la Promega, utilizând 16 markeri STR.
- Celulele de șoarece sunt tipizate cu 18 markeri STR.
- Celulele de șobolan sunt tipizate cu 14 markeri STR și un marker specific sexului.
- Celulele de câine sunt tipizate cu 11 markeri STR.
- Celulele de hamster sunt tipizate cu 10 markeri STR.

Rezultate

Veți primi rezultatele în termen de 2 săptămâni prin e-mail. Rezultatele includ compararea datelor cu baza de date Cellosaurus. Linia celulară va fi clasificată ca fiind autenticată sau identificată eronat.

Repetiții scurte în tandem (STR)

Un motiv ADN format din 2-13 baze, care se repetă de până la câteva sute de ori, constituie o repetiție scurtă în tandem (STR). Variabilitatea individuală a numărului de repetiții într-un STR duce la variații ale lungimii fragmentelor produse atunci când se utilizează PCR. Liniile celulare sunt profilate utilizând aceste variații ale lungimilor fragmentelor la mai multe loci.

Detectarea amestecurilor de linii celulare

Este posibilă identificarea contaminării unei linii celulare cu una sau mai multe linii celulare suplimentare, până la o frecvență de 10% a liniei celulare contaminante. Combinațiile de linii celulare furnizează de obicei profiluri STR cu trei sau mai multe vârfuri pentru un singur loci sau pentru mai mulți loci.