

# Autenticación de líneas celulares de hámster (repeticiones cortas en tándem [STR]) | 900171

Dada la prevalencia de la contaminación cruzada y la identificación errónea, la autenticidad de las células empleadas en proyectos de investigación científica es una de las principales preocupaciones. Se estima que alrededor del 15-20% de toda la investigación basada en líneas celulares trabaja con líneas celulares mal identificadas. Por lo tanto, determinar el perfil de una línea celular mediante el análisis de STR es crucial para llevar a cabo investigaciones fiables y repetibles. Además, cada vez más revistas exigen la verificación de la línea celular antes de aceptar un artículo.

## Nuestro servicio incluye

- Autenticación de líneas celulares
- Comparación con bases de datos en línea
- Informe de análisis listo para su publicación

## Fácil de usar

- Descargue el [formulario de pedido de autenticación de líneas celulares](#) y añada la hoja cumplimentada e impresa a su envío de muestras.
- Envíenos las muestras en un sobre acolchado a temperatura ambiente.
- Para ADNg, por favor proporciéndonos  $\geq 50 \mu\text{l}$  de  $50\text{ng}/\mu\text{l}$  de ADNg en Tris o EDTA (10 mM Tris, 0,1 mM EDTA).
- Para pellets celulares, por favor proporciéndonos 1,0-5,0 millones de células como pellet celular. Lave dos veces con PBS y resuspenda en 0,5 ml de etanol al 70-90%.

## Marcadores

- Las células humanas se tipifican con el sistema PowerPlex de Promega utilizando 16 marcadores STR.
- Las células de ratón se tipifican con 18 marcadores STR.
- Las células de rata se tipifican con 14 marcadores STR y un marcador específico de sexo.
- Las células de perro se tipifican con 11 marcadores STR.
- Las células de hámster se tipifican con 10 marcadores STR.

## Resultados

Recibirá los resultados en un plazo de 2 semanas por correo electrónico. Los resultados incluyen la comparación de los datos con la base de datos Cellosaurus. La línea celular se clasificará como autenticada o mal identificada.

## Repeticiones cortas en tándem (STR)

Un motivo de ADN de 2-13 bases que se repite hasta varios cientos de veces constituye una repetición corta en tándem (STR). La variabilidad individual en el número de repeticiones de un STR provoca variaciones en la longitud de los fragmentos producidos al emplear la PCR. Las líneas celulares se perfilan utilizando estas variaciones en las longitudes de los fragmentos en varios loci.

## Detección de mezclas de líneas celulares

Es posible identificar la contaminación de una línea celular por una o más líneas celulares adicionales hasta una frecuencia del 10% de la línea celular contaminante. Las combinaciones de líneas celulares suelen proporcionar perfiles STR con tres o más picos para uno o varios loci.